生物工程

高产吲哚乙酸菌株的筛选、鉴定及其发酵特性

徐科玉,赵国群*

(河北科技大学 食品与生物学院,河北 石家庄 050018)

摘要:微生物发酵法生产吲哚乙酸(IAA)具有条件温和、能耗低、不使用有毒有害物质、环境污染小等优点。 从蔬菜根际土壤中筛选出一株产 IAA 能力较强的菌株 FX-02,通过形态学、生理生化特征及分子生物学鉴定, 将该菌株鉴定为霍氏肠杆菌(Enterobacter hormaechei)。对 FX-02 发酵产生 IAA 特性进行了研究。结果表明、 FX-02 生物合成 IAA 的途径属于色氨酸依赖型。FX-02 合成 IAA 的适宜色氨酸质量浓度为 10.0 g/L。FX-02 产 IAA 的最佳碳、氮源及无机盐分别为甘油、蛋白胨和氯化钙。当发酵培养基为甘油质量浓度 10.0 g/L、蛋白胨质 量浓度 10.0 g/L、色氨酸质量浓度 10.0 g/L、硫酸镁质量浓度 1.5 g/L、磷酸氢二钾质量浓度 1.5 g/L 时, 30 ℃、

180 r/min 振荡培养 72 h, FX-02 的 IAA 产量(2349.40 mg/L)达到较高水平。

关键词: 吲哚乙酸; 筛选; 鉴定; 霍氏肠杆菌; 发酵特性; 生物工程

中图分类号: TQ452.1 文献标识码: A

文章编号: 1003-5214 (2022) 01-0121-06 开放科学 (资源服务) 标识码 (OSID):

Screening and identification of a high-IAA-yield microbial strain and its fermentation characteristics

XU Keyu, ZHAO Guoqun*

(College of Food Science and Biology, Hebei University of Science and Technology, Shijiazhuang 050018, Hebei, China)

Abstract: Indole-3-acetic acid (IAA) production by microbial fermentation has some advantages such as mild reaction conditions, low energy consumption, no employment of toxic and harmful substances, and low environmental pollution. A strain FX-02 with higher IAA production ability was isolated and screened from the vegetable rhizosphere soils. The strain was identified as *Enterobacter hormaechei* by morphology, physiological and biochemical characteristics, and molecular biology. The characteristics of IAA produced by fermentation of FX-02 were studied. The results showed that the IAA biosynthetic pathway of FX-02 belonged to tryptophan-dependent type. The optimal mass concentration of tryptophan for FX-02 to synthesize IAA was 10.0 g/L. The best carbon and nitrogen sources and inorganic salt for FX-02 to produce IAA were glycerol, peptone and calcium chloride, respectively. When the fermentation cultural medium (glycerol mass concentration of 10.0 g/L, peptone mass concentration of 10.0 g/L, tryptophan mass concentration of 10.0 g/L, MgSO₄ mass concentration of 1.5 g/L and K₂HPO₄ mass concentration of 1.5 g/L) was incubated at 30 °C for 72 h at 180 r/min, the IAA production of FX-02 reached a higher level (2349.40 mg/L).

Key words: indole-3-acetic acid; screening; identification; Enterobacter hormaechei; fermentation characteristics; biological engineering

吲哚-3-乙酸(IAA)是一种植物生长调节剂, 在植物细胞的分裂、伸长、分化和种子萌发、根系 发育以及营养生长过程起着重要的作用[1-2]。施用 IAA 可以促进作物生长、提高作物产量,因而广泛

应用于农业生产^[3]。目前, IAA 的工业生产采用化 学合成方法。在化学合成 IAA 的生产过程中,不仅 需要高温高压、能耗高,而且还使用氰化钾等有毒 有害物质,环境污染严重[4]。NUTARATAT等[5]使用

收稿日期: 2021-08-01; 定用日期: 2021-10-26; **DOI:** 10.13550/j.jxhg.20210776

基金项目:河北省重点研发计划项目(19226920D)

作者简介: 徐科玉(1989—), 男, 硕士生, E-mail: xukeyu666@163.com。 联系人: 赵国群(1963—), 男, 教授, E-mail: gqzhao18@126.com。

红色酵母菌采用分批补料发酵的方式发酵生产 IAA, 其 IAA 产量达到了 1627.10 mg/L。与化学合成法相 比,采用微生物发酵法生产 IAA 具有过程条件温和、 能耗低,不使用有毒有害物质,环境污染小等优点。

除植物能产生少量 IAA 外,许多微生物也能够产生 IAA。刘璐等^[6]从大连市郊区农田的植物根际土壤中筛选出了一株芽孢杆菌,其 IAA 产量为106.11 mg/L。周铭典等^[7]从猪粪堆肥中筛选出一株停滞帮杆菌(Corynebacterium stationis),其 IAA产量为138.87 mg/L。GARG等^[8]从印度三叶草根瘤中分离出一株根瘤菌 BH14,其 IAA产量为176 mg/L。GHOSH等^[9]从大豆根系土壤中筛选出了一株肠杆菌,其 IAA产量为545 mg/L。细菌具有培养基简单、生长速度快、发酵周期短、易规模化生产的特点。但目前从土壤及其他来源筛选出的产 IAA 细菌普遍产量很低,难以满足发酵法工业化规模生产 IAA 的要求。此外,关于发酵法生产 IAA 的研究在国内外开展得很少。

本研究从蔬菜根际土壤中筛选出一株高产 IAA的细菌菌株,经过鉴定,该菌株为霍氏肠杆菌。研究了不同碳源、氮源、无机盐和色氨酸条件下该菌株产生 IAA 的发酵特性,以期为微生物发酵法生产IAA 提供理论及实验依据。

1 实验部分

1.1 土壤样品

土壤样品采集于河北省石家庄市藁城区杜村蔬菜种植基地黄瓜、番茄等蔬菜根际土壤,取样深度为 0~20 cm。采集土样时剔除石块等杂物,放置无菌袋中,置于冰箱 4 ℃保存。

1.2 试剂与仪器

吲哚乙酸标准品,LC,北京索莱宝生物科技有限公司;色氨酸,AR,上海罗恩试剂有限公司;糖蜜,BR,南宁糖蜜糖业有限公司;棉籽粉、豆粕粉、花生饼粉,BR,北京鸿润宝顺科技股份有限公司;玉米浆,BR,河南鑫洋实业有限责任公司;淀粉、糊精、酵母浸粉、葡萄糖、蔗糖、麦芽糖、蛋白胨,BR,北京奥博星生物技术有限责任公司;NH₄Cl、(NH₄)₂SO₄、NaCl、NaNO₃、KCl、MgCl₂、CaCO₃、CaCl₂、MgSO₄、K₂HPO₄、HClO₄、FeCl₃、甘油,AR,天津市永大化学试剂有限公司。

ZWY-240 恒温摇床,上海智城分析仪器制造有限公司; HANNA pH211 台式酸度计,意大利哈纳仪器公司; EL204型分析天平,梅特勒-托利多(上海)仪器有限公司; 752型紫外-可见分光光度计,上海光谱仪器有限公司; SPX-250B-II 生化培养箱,上海贺德实验设备有限公司。

1.3 培养基

LB 液体培养基(g/L):蛋白胨 10.0、酵母浸粉 5.0、NaCl 10.0, pH 调至 7.0~7.2。

LB 固体培养基 (g/L): 琼脂 20.0, 其余同 LB 液体培养基。

发酵培养基(g/L):葡萄糖 10.0、蛋白胨 10.0、色氨酸 2.0、硫酸镁 1.5、磷酸氢二钾 1.5, pH 调至 7.0~7.2。

1.4 方法

1.4.1 高产 IAA 菌株的筛选

- (1)菌株的分离:称取土壤样品 10 g,加入 100 mL 无菌水, 28 ℃、120 r/min 振荡 30 min,静置 10 min,形成 0.10 kg/L 菌悬液。将此土壤菌悬液用无菌水梯度稀释成 1×10⁻³~1×10⁻⁹,然后将 1×10⁻⁵~1×10⁻⁸稀释度的菌悬液涂布于 LB 固体培养基上,放置于30 ℃生化培养箱培养 48 h。挑取不同形态的菌落,并通过划线分离纯化得到单菌落。制成单菌落的 LB 固体培养基(斜面),4 ℃冰箱保存。
- (2) IAA 产生菌的初筛:将斜面保藏的菌体用LB 固体培养基重新活化,然后用接种环挑取 2~3 环单菌落接种到 LB 液体培养基中,30 ℃、180 r/min 摇床振荡培养 24 h。吸取 2 mL 发酵液于试管中,加入 4 mL Salksowski 显色试剂(1 mL 0.5 mol/L FeCl₃ 溶液与 50 mL 质量分数 35% HClO₄ 溶液的混合液)^[10],在避光条件下 40 ℃水浴 30 min。颜色变红者表示该菌株具有产生 IAA 能力,且红色越深表明 IAA 产量越高。
- (3) IAA 产生菌的复筛:将能够产生 IAA 的菌株接种到发酵培养基中,接种体积分数 5%,30 ℃、180 r/min 摇床振荡培养 24 h。发酵结束后,测定发酵液中 IAA 的含量。

1.4.2 IAA产生菌的鉴定

- (1)产生菌的形态学及生理生化鉴定:参照《常见细菌系统鉴定手册》,观察菌种在 LB 固体培养基培养 24 h 后的形态特征,包括形态、颜色、边缘、表面、透明度等;对菌株进行革兰氏染色并用油镜进行观察以确定菌种类型。对其进行氧化酶实验、吲哚利用、柠檬酸盐利用、丙二酸盐利用、麦芽糖利用、D-山梨醇利用、MR(甲基红)实验和 VP(乙酰甲基甲醇)实验。
- (2)产生菌的分子生物学鉴定:分离纯化的菌株采用 SDS-CTAB(十二烷基磺酸钠-十六烷基三甲基溴化铵)法提取基因组,使用细菌通用引物 27f (5'-AGAGTTTGATCCTGGCTCAG-3')和 1492r (5'-CTACGGCTACCTTGTTACGA-3')对菌株序列进行扩增^[6],委托上海派森诺生物科技股份有限公司进行16S rDNA 鉴定。

1.4.3 IAA产生菌发酵产 IAA 特性研究

- (1)碳源对 FX-02 菌体生长及产 IAA 的影响实验 将发酵培养基中碳源分别调整为葡萄糖、蔗糖、麦芽糖、淀粉、糖蜜、糊精和甘油,其质量浓度均为 10.0 g/L。培养基灭菌后,接人体积分数 5% FX-02种子液,30 ℃、180 r/min 摇床振荡培养 72 h。
- (2)氮源对 FX-02 菌体生长及产 IAA 的影响实验 将发酵培养基中碳源调整为甘油,氮源分别调整为氯化铵、硫酸铵、花生饼粉、豆粕粉、棉籽粉、酵母浸粉、玉米浆和蛋白胨,其质量浓度均为 10.0 g/L。培养基灭菌后,接入体积分数 5% FX-02 种子液,30 ℃、180 r/min 摇床振荡培养 72 h。
- (3)无机盐对 FX-02 菌体生长及产 IAA 的影响 实验

将发酵培养基中无机盐分别调整为氯化钙、碳酸钙、氯化钠、硝酸钠、氯化钾、氯化镁和硫酸镁,其质量浓度均为 1.5~g/L,并将硫酸镁设为对照。培养基灭菌后,接人体积分数 5%~FX-02 种子液,30~C、180~r/min 摇床振荡培养 72~h。

(4)色氨酸对 FX-02 菌体生长及产 IAA 的影响实验

将发酵培养基中色氨酸质量浓度分别调整为 0.1、 0.3、0.5、1.0、2.0、4.0、6.0、8.0、10.0 和 12.0 g/L, 其他成分及质量浓度保持不变,不添加色氨酸的培养基作为对照。培养基灭菌后,接入体积分数 5% FX-02 种子液,30 ℃、180 r/min 摇床振荡培养 72 h。 1.4.4 分析方法

- (1)菌体生长的检测:将发酵液直接或做适当稀释后,使用紫外-可见分光光度计测定发酵液在600 nm 处的光密度值(OD600)。
- (2) IAA 浓度的检测:参考 DEFEZ 等[11]的 IAA 浓度检测方法。发酵液 5000 r/min 离心 10 min,吸取 2.0 mL 上清液与 2.0 mL 的 Salksowski 显色试剂混合,40 ℃避光水浴 30 min,使用紫外-可见分光光度计于波长 530 nm 处测定其吸光度。对照标准关系曲线计算单位体积发酵液中 IAA 产量。标准关系曲线通过梯度稀释 IAA 标准品绘制。

2 结果与讨论

2.1 高产 IAA 菌株的筛选与鉴定

2.1.1 菌株筛选

从蔬菜根际土壤中共分离出 135 株细菌。利用 IAA 与 Salksowski 试剂的显色反应,初步筛选出具有明显颜色变化的菌株 5 株,其编号分别为 FX-02、FX-04、FX-18、FX-39、FX-72。对上述菌株进行复筛,定量测定其 IAA 产量,结果见表 1。如表 1 所示,菌株 FX-02 的产 IAA 能力最高,其 IAA 产量达

到 274.32 mg/L; 其次是菌株 FX-39, 而菌株 FX-04 产 IAA 能力最低, 其 IAA 产量仅为 25.35 mg/L。因此,将菌株 FX-02 作为后续研究的对象。

表 1 筛选出的产 IAA 菌株的 IAA 产量 Table 1 IAA production of screened producing IAA strains

菌株	IAA 产量/(mg/L)
FX-02	274.32±3.20
FX-04	25.35±0.30
FX-18	64.72±0.41
FX-39	194.74±1.70
FX-72	100.15±1.20

2.1.2 菌株鉴定

(1)形态学及生理生化特征鉴定:菌株 FX-02 在 LB 固体培养基形成的菌落为圆形,呈乳白色,表面光滑、湿润、较透明(见图 la)。在显微镜下观察,菌株 FX-02 菌体呈短杆状(图 lb)。菌株FX-02 的部分生理生化指标见表 2。

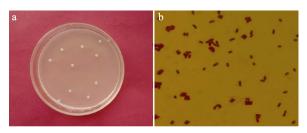


图 1 菌株 FX-02 的菌落形态(a)和菌体形态(b)

Fig. 1 Colony morphology (a) and morphological feature (b) of strain FX-02

表 2 菌株 FX-02 生理生化指标

Table 2 Physiological and biochemical properties of strain FX-02

鉴定指标	结果
革兰氏染色	=
吲哚	+
氧化酶	_
丙二酸盐	+
柠檬酸盐	+
麦芽糖	+
D-山梨醇	_
MR 实验	_
VP 实验	+

注: "+"表示阳性反应, "-"表示阴性反应。

(2)分子生物学鉴定:以菌株 FX-02 的 DNA 为模板获得 1.4 kb (即千碱基对)的特异性 DNA 片段。经 16S rDNA 测序获得菌株 FX-02 的 16S rDNA 序列,并进行 NCBI 数据库 BLAST 序列比对,发现 FX-02 与霍氏肠杆菌 10-17 (Enterobacter hormaechei subsp. xiangfangensis 10-17)的一致性达到 99.65%。根据比对结果,对 FX-02 与参比菌株构建系统发育树(图 2)。如图 2 所示,在进化树上菌株 FX-02

与霍氏肠杆菌 10-17 位于同一支。模式菌株霍氏肠杆菌 10-17 的特征是革兰氏阴性菌,氧化酶实验阴性,不产生吲哚,能够分解利用丙二酸盐、柠檬酸盐、麦芽糖,不能分解利用 D-山梨醇,MR 实验阴性,VP 实验阳性。

FX-02 生理生化特征(表2)除吲哚反应外均与

模式菌株一致,其可能原因为该菌具有转化色氨酸产生吲哚的能力,与该菌能够产生 IAA 的特征相符合。结合以上信息,将 FX-02 菌株鉴定为霍氏肠杆菌(Enterobacter hormaechei)。该菌种于 2021 年 4 月 26 日保藏于中国典型培养物保藏中心,保藏号 CCTCC No. M2021409。

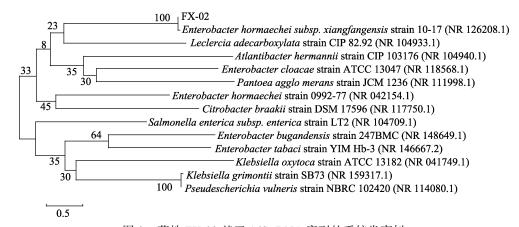


图 2 菌株 FX-02 基于 16S rDNA 序列的系统发育树 Phylogenetic tree of strain FY 02 based on 16S rDNA sequence

Fig. 2 Phylogenetic tree of strain FX-02 based on 16S rDNA sequences

2.2 FX-02 菌发酵产 IAA 特性研究

2.2.1 碳源对 FX-02 菌体生长及产 IAA 的影响

碳源是微生物生长及代谢产物合成所必需的基 础营养成分之一。如表 3 所示, 在所实验的 7 种碳 源中, 甘油作碳源时菌体生长最好, 其次是淀粉, 而糖蜜表现最差。从 IAA 产量来看,仍然是甘油作 碳源时 IAA 产量最高,糖蜜的 IAA 产量最低;其他 5 种碳源的菌体生长有显著的差异,但其 IAA 产量 差异并不显著。吴翔等[12]研究报道弯曲芽胞杆菌 MY07 产 IAA 的最佳碳源为甘露醇; 当碳源为葡萄 糖、蔗糖、乳糖、麦芽糖时,菌株几乎不分泌 IAA, 并认为其原因是葡萄糖和IAA反应形成糖基酯-IAA 复合体, 使 IAA 以一种无活性状态存在, 最终使得 游离态 IAA 产量下降。然而,余水静等[13]报道 Pantoea sp. IAA-6 产 IAA 的最佳碳源为淀粉。徐婧等[14]报道 产酸克雷伯菌(Klebsiella oxytoca)产 IAA 的最佳碳 源为蔗糖。造成这种实验结果差异的原因应该与微 生物菌种、培养基成分及培养条件的不同有关。

表 3 碳源对 FX-02 菌体生长及产 IAA 的影响 Table 3 Effect of carbon source on the growth and IAA production of strain FX-02

	production of strain 111 02		
碳源	į	OD 值	IAA 产量/(mg/L)
糖蜜		4.15±0.05 ^f	839.62±9.4°
葡萄	糖	6.69 ± 0.06^{d}	982.03 ± 7.8^{bc}
蔗糖		5.61±0.07 ^e	968.75±8.3°
麦芽	糖	8.27±0.10 ^b	984.83 ± 7.6^{bc}
糊精		8.48±0.08 ^b	979.32±5.9°
淀粉		8.70±0.11 ^a	994.74 ± 8.4^{b}
甘油		8.78 ± 0.08^{a}	1019.05 ± 11.6^a

注:同列不同字母表示差异显著(p<0.05)。下同。

2.2.2 氮源对 FX-02 菌体生长及产 IAA 的影响

氮源也是影响微生物生长及代谢产物合成的基 础营养成分。如表 4 所示, 氮源的种类对 FX-02 菌 体生长及产 IAA 有很大的影响。所实验的氮源可分 为有机氮源和无机氮源。与有机氮源相比, 当使用 无机氮源时, FX-02 菌体生长很差, IAA 产量也很 低。当使用有机氮源时, FX-02 菌体生长要明显好 于无机氮源,其IAA产量也远高于无机氮源。但菌体 生长与 IAA 产量并非完全正相关。例如, 当花生饼粉 为氮源时, FX-02 菌体生长远好于玉米浆, 但其 IAA 产量(164.71 mg/L)却大大低于玉米浆(638.14 mg/L)。 这是由于 IAA 属于微生物的次级代谢产物[15], 而次 级代谢产物通常是在菌体停止生长进入稳定期后才 开始大量合成的, 在同样的培养条件下, 过高的菌 体生长反而不利于 IAA 的合成。根据 IAA 产量, FX-02产 IAA 的最佳氮源为蛋白胨,其次是酵母浸 粉和玉米浆。吴翔等[12]研究报道弯曲芽胞杆菌 MY07 产 IAA 的最佳氮源为 KNO3。余水静等[13]报 道 Pantoea sp. IAA-6 产 IAA 的最佳氮源为蛋白胨。 赵柏霞等[16]报道阿氏芽孢杆菌(Bacillus aryabhattai) 产 IAA 的最佳氮源为酵母粉。造成这种实验结果差 异的原因主要与微生物菌种有关。

2.2.3 无机盐对 FX-02 菌体生长及产 IAA 的影响

无机盐主要为微生物提供除碳、氮源以外的各种重要元素。如表 5 所示,从菌体生长的角度来看,在所实验的 7 种无机盐中,氯化钙的菌体生长最好,其 OD 值显著高于对照(硫酸镁);其他无机盐的OD 值均不高于或低于对照。从 IAA 产量来看,当

培养基中无机盐为氯化钠、硝酸钠和氯化钾时,IAA产量均显著低于硫酸镁(p<0.05)。

表 4 氮源对 FX-02 菌体生长及产 IAA 的影响 Table 4 Effect of nitrogen source on the growth and IAA production of strain FX-02

氮源	OD 值	IAA 产量/(mg/L)
氯化铵	$1.90\pm0.02^{\rm f}$	$6.75\pm0.08^{\rm f}$
硫酸铵	1.64 ± 0.02^{g}	21.23 ± 0.18^{f}
花生饼粉	16.55 ± 0.19^a	164.71 ± 2.6^{e}
豆粕粉	12.32 ± 0.14^{c}	167.36 ± 2.4^{e}
棉籽粉	9.78 ± 0.09^{d}	428.73 ± 5.5^{d}
酵母浸粉	15.54 ± 0.20^{b}	963.65 ± 12.3^{b}
玉米浆	8.52 ± 0.08^{e}	$638.14\pm9.2^{\circ}$
蛋白胨	12.21±0.11°	1020.75±12.1 ^a

表 5 无机盐对菌体生长及产 IAA 的影响
Table 5 Effect of inorganic salts on the growth and IAA production of strain FX-02

无机盐	OD 值	IAA 产量/(mg/L)
硫酸镁	8.95±0.11 ^b	1018.7±13.2 ^b
氯化钠	8.60 ± 0.09^{d}	924.6 ± 13.2^{d}
硝酸钠	8.87 ± 0.10^{b}	946.4 ± 15.4^{d}
氯化钾	8.63 ± 0.09^{cd}	941.9 ± 14.7^{d}
氯化镁	8.62 ± 0.07^d	989.4±10.2°
碳酸钙	$8.80{\pm}0.06^{bc}$	926.6 ± 14.8^d
氯化钙	9.13 ± 0.09^{a}	1186.7±17.8 ^a

尽管均为镁盐,氯化镁的 IAA 产量却稍低于硫酸镁。从表 5 还发现,与硫酸镁相比,氯化钙可促进 FX-02 合成 IAA,其 IAA 产量增加了 16.49%。李冠杰等[17]也发现钙离子对衣芽孢杆菌 YDY 产IAA 有显著促进作用。然而,刘璐等^[6]和贾西贝等^[18]报道产 IAA 的最适金属离子为镁离子。造成这种实验结果差异的原因主要是所使用的微生物菌种的不同。与氯化钙的促进作用不同,碳酸钙呈现出抑制作用,其原因尚不清楚,有待进一步研究。

2.2.4 色氨酸对 FX-02 产 IAA 的影响

图 3 是色氨酸对菌株 FX-02 产 IAA 的影响。

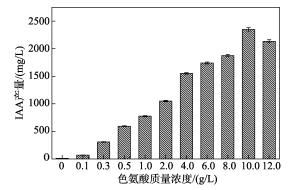


图 3 色氨酸对菌株 FX-02 产 IAA 的影响 Fig. 3 Effect of tryptophan on IAA production of strain FX-02

如图 3 所示, 当发酵培养基不含色氨酸时, FX-02 产 IAA 很少, 其 IAA 产量仅为 12.20 mg/L。 当培养基添加色氨酸后, IAA 产量明显增加, 而且 在色氨酸质量浓度为 0.1~10.0 g/L 时, 随着色氨酸 质量浓度的增加, FX-02 分泌 IAA 量也随之增加, 其 IAA 产量几乎呈线性升高。当色氨酸质量浓度为 10.0 g/L 时, FX-02 的 IAA 产量达到最大值, 为 2349.40 mg/L,该产量是国内外一些相关研究报道 的 IAA 产量的 4~22 倍^[6-9]。IAA 属于微生物的次级 代谢产物。研究表明,细菌的 IAA 生物合成途径分 为色氨酸依赖型和非色氨酸依赖型,以依赖色氨酸 途径为主[19]。在依赖色氨酸途径中,细菌产 IAA 路 径主要包括吲哚丙酮酸路径 (Indole-3-pyruvic acid, IPyA)和吲哚-3-乙酰胺(Indole-3-acetamide, IAM) 路径[20]。作为 IAA 合成途径中的一种重要的前体物 质,色氨酸对 IAA 生物合成具有促进作用,而且色 氨酸浓度越高越有利于 IAA 的合成, IAA 产量也越 高。然而,与其他次级代谢产物的前体物质一样, 色氨酸浓度较高时会产生毒性,从而抑制 IAA 生物 合成。IAA 产生菌对色氨酸的耐受性(或最适色氨 酸浓度)与微生物菌种有关。李雅华等[21]研究了一 株从烟草根际土壤分离得到的根际促生菌 F23 的产 IAA 特性, 发现 F23 产 IAA 的最适色氨酸质量浓度 为 0.5 g/L。ABD-ALLA 等^[22]研究发现,放线菌 ASU14 产 IAA 的最适色氨酸质量浓度为 5.0 g/L。 根据本实验结果可知, FX-02 生物合成 IAA 的途径 属于色氨酸依赖型。FX-02产 IAA 的最适色氨酸质 量浓度为 10.0 g/L,远高于一些相关报道,其主要 原因是 FX-02 产 IAA 的最适色氨酸质量浓度高, 培 养基中高浓度色氨酸对 IAA 生物合成起到了很大促 进作用, 从而使 FX-02 高产 IAA。SUDHA 等[15]报 道使用鹰嘴豆下脚料发酵培养根瘤菌(Rhizobium), 经过工艺优化 IAA 产量达到了 6100 mg/L, 其高产 IAA 的原因应该与菌种、培养基成分及工艺优化均 有关系。

3 结论

从蔬菜根际土壤中筛选获得一株产 IAA 能力较强的微生物菌株 FX-02,并将该菌株鉴定为霍氏肠杆菌 (Enterobacter hormaechei)。对菌株 FX-02 发酵产生 IAA 的特性进行了研究,结果发现:(1)FX-02 菌体生长和产 IAA 最佳碳源均为甘油; FX-02 菌体生长的最佳氮源为花生饼粉,而产 IAA 的最佳氮源则为蛋白胨;(2)FX-02 菌体生长和产 IAA 的最适宜无机盐为氯化钙;(3)FX-02 生物合成 IAA 的途径为色氨酸依赖型;(4)合成 IAA 的适宜色氨酸质

量浓度为 10.0 g/L,这表明 FX-02 具有很强的转化色氨酸能力;(5)当发酵培养基为甘油 10.0 g/L、蛋白胨 10.0 g/L、色氨酸 10.0 g/L、硫酸镁 1.5 g/L、磷酸氢二钾 1.5 g/L 时,30 °C、180 r/min 摇床振荡培养 72 h,菌株 FX-02 的 IAA 产量高达 2349.40 mg/L。如何进一步提高 IAA 产量,从而满足发酵法工业化生产 IAA 的要求,还有待深入研究。

参考文献:

- [1] LIPG (李培根), YAOYQ (要雅倩), SONGJX (宋吉祥), et al. Isolation and identification of IAA-producing Bacillus sp. on potato rhizosphere and its growth-promoting effect[J]. Biotechnology Bulletin (生物技术通报), 2020, 36(9): 109-116.
- [2] MANO Y, NEMOTO K. The pathway of auxin biosynthesis in plants [J]. Journal of Experimental Botany, 2012, 63(8): 2853-2872.
- [3] ZHANG D Y (张东艳), LIU Y (刘晔), WU Y (吴越), *et al.* Isolation and identification of IAA-producing strains from peanut rhizosphere and its promoting effects on peanut growth[J]. Chinese Journal of Oil Crop Sciences (中国油料作物学报), 2016, 38(1): 104-110.
- [4] SONG X P (宋小平), HAN C R (韩长日). Production process and technology of agrochemicals [M]. Beijing: Scientific and Technical Documentation Press (科学技术文献出版社), 2019.
- [5] NUTARATAT P, SRISUK N, ARUNRATTIYAKORN P, et al. Fedbatch fermentation of indole-3-acetic acid production in stirred tank fermenter by red yeast *Rhodosporidium paludigenum*[J]. Biotechnology and Bioprocess Engineering, 2016, 21(3): 414-421.
- [6] LIU L (刘璐), TANG W Z (唐文竹), LI X Z (李宪臻). Screening, identification and optimization of IAA producing bacteria[J]. Journal of Dalian Polytechnic University (大连工业大学学报), 2019, 38(4): 239-243.
- [7] ZHOU M D (周铭典), CAI G J (蔡冠竟), NING J (宁静), et al. Screening, identification and culture condition optimization of an indole-3-acetic acid producing bacterial strain[J]. Journal of Biology (生物学杂志), 2021, 38(2): 65-69.
- [8] GARG V, KUKREJA K, GERA R, et al. Production of indole-3acetic acid by berseem (*Trifolium alexandrinum* L.) rhizobia isolated from Haryana, India[J]. Agricultural Science Digest-A Research Journal, 2015, 35(3): 229-232.
- [9] GHOSH P K, SEN S K, MAITI T K. Production and metabolism of IAA by *Enterobacter* spp. (Gammaproteobacteria) isolated from root nodules of a legume *Abrus precatorius* L.[J]. Biocatalysis and Agricultural Biotechnology, 2015, 4(3): 296-303.
- [10] GLICKMANN E, DESSAUX Y. A critical examination of the specificity of the Salkowski reagent for indolic compounds produced by phytopathogenic bacteria[J]. Applied and Environmental Microbiology, 1995, 61(2): 793-796.
- [11] DEFEZ R, ANDREOZZI A, BIANCO C. The overproduction of indole-3-acetic acid (IAA) in endophytes upregulates nitrogen

- fixation in both bacterial cultures and inoculated rice plants[J]. Microbial Ecology, 2017, 74(2): 441-452.
- [12] WU X (吴翔), GAN B C (甘炳成), XIE L Y (谢丽源), et al. Application of response surface methodology for optimization of liquid fermentation medium for IAA secretion by MY07[J]. Biotechnology (生物技术), 2015, 25(2): 201-204.
- [13] YUSJ(余水静), LEIQ(雷强), QIANJL(钱佳琳), et al. Screening and fermentation characteristics of one IAA-producing strain in rhizosphere of Gannan navel orange[J]. Journal of Jiangxi University of Science and Technology (江西理工大学学报), 2019, 40(2): 30-34
- [14] XU J (徐婧), SHAO K (邵锴), LI D F (李东芳), et al. Selection, identification of an IAA biosynthesis strain and the optimization of its culture medium[J]. Journal of Suzhou University of Science and Technology:Natural Science (苏州科技大学学报:自然科学版), 2018, 35(2): 45-54.
- [15] SUDHA M, GOWRI R S, PRABHAVATHI P, et al. Production and optimization of indole acetic acid by indigenous micro flora using agro waste as substrate[J]. Pakistan Journal of Biological Sciences, 2012, 15(1): 39-43.
- [16] ZHAO B X (赵柏霞), LIU H Q (刘浩强), SUN L X (孙丽娜), et al.

 Screening and identification of IAA production microbes in rhizosphere of cheery and optimization of its culture conditions[J].

 South China Fruits (中国南方果树), 2017, 46(3): 23-28.
- [17] LI G J (李冠杰), WANG W L (王文丽), YUE D D (岳丹丹), et al. Optimization of high-yield indole acetic acid and fermentation conditions of *Bacillus licheniformis* YDY[J]. Henan Science (河南科学), 2018, 36(1): 70-76.
- [18] JIA X B (贾西贝), WANG Q Q (王琦琦), LI Y (李杨), et al. Isolation, identification and fermentation conditions optimization of a salt-tolerant growth-promoting and indoleacetic acid-producing bacterium[J]. China Brewing (中国酿造), 2019, 38(11): 37-42.
- [19] MCCLERKLIN S A, LEE S G, HARPER C P, et al. Indole-3-acetaldehyde dehydrogenase-dependent auxin synthesis contributes to virulence of *Pseudomonas syringae* strain DC3000[J]. Plos Pathogens, 2018, 14(1): 1-24.
- [20] DI D W, ZHANG C G, LUO P, et al. The biosynthesis of auxin: How many paths truly lead to IAA?[J]. Plant Growth Regulation, 2016, 78(3): 275-285.
- [21] LIYH (李雅华), ZHANG QH (张启航), WANG J (王姣), et al. Screening of IAA-producing strains by UV and DES mutagenesis and optimization of culture conditions[J]. Journal of Nuclear Agricultural Sciences (核农学报), 2020, 34(9): 1873-1880.
- [22] ABD-ALLA M H, EI-SAYED E A, RASMEY A M. Indole-3-acetic acid (IAA) production by *Streptomyces atrovirens* isolated from rhizospheric soil in Egypt [J]. Journal of Biology and Earth Sciences, 2013, 3(2): 182-193.

(上接第107页)

- [23] TOKUNAGA T, KOGE S, MIZUMO T, *et al.* Facile preparation of a soluble polymer containing polyhedral oligomeric silsesquioxane units in its main chain[J]. Polymer Chemistry, 2015, 6(16): 3039-3045.
- [24] SUN B (孙斌). Effects of UV and O₃ on aging behavior of polyurethane [D]. Qinhuangdao: Yanshan University (燕山大学), 2012.
- [25] SHI W H, HE G H, LIU H J, et al. Fabrication of polyetherimide microporous membrane using supercritical CO₂ technology and its application for affinity membrane matrix[J]. Journal of Supercritical Fluids, 2014, 85: 151-158.
- [26] GARCRA M, PINOTTI A, MARTINO M, et al. Characterization of composite hydrocolloid films[J]. Carbohydrate Polymers, 2004, 56(3): 339-345.
- [27] METZ S, VANDEVEN W, POTRECK J, et al. Transport of water vapor and inert gas mixtures through highly selective and highly permeable polymer membranes[J]. Journal of Membrane Science, 2005, 251(1/2): 29-41.
- [28] ZHANG C, ZHANG C, DING R M, et al. New water vapor barrier film based on lamellar aliphatic-monoamine-bridged polysilsesquioxane [J]. ACS Applied Materials & Interfaces, 2016, 8(23): 14766-14775.